



## COMUNICATO STAMPA

### **Pronta la prima mappa delle varianti del DNA delle popolazioni, grazie anche all'apporto del CRS4 attraverso la mappatura del DNA dei sardi**

Pula, 09/11/2012

Grazie al risultato del progetto internazionale “**1.000 Genomi**”, pubblicato recentemente su **Nature**, sarà possibile descrivere le **variazioni genetiche** nelle popolazioni umane con un livello di dettaglio mai raggiunto finora. Lo strumento fornirà informazioni utili per capire l'**origine** di **malattie** quali cancro, diabete, sclerosi multipla e per ideare cure personalizzate. Anche la Sardegna, grazie al lavoro dei ricercatori del gruppo di genomica avanzata del **CRS4** (Advanced genomics and computational technologies group), guidato dall'ex fisico del CERN, Chris Jones, è rappresentata in questo studio.

“Sono state comparate le varianti genetiche trovate dal progetto 1000G con le varianti della **popolazione isolata sarda**, studiate attraverso il progetto SardiNIA” – spiega il ricercatore Frederic Reinier “ed è stato osservato un numero più elevato di variazioni genetiche rare nella popolazione isolana, che fornirà un valido aiuto negli studi di malattie presenti in Sardegna”.

Questi risultati, ottenuti dalle circa **2000 sequenze** studiate nel progetto SardiNIA a cui il CRS4 lavora assiduamente da alcuni anni in collaborazione con il CNR di Cagliari diretto dal prof. Francesco Cucca, rivestono anche un ruolo molto importante per la comprensione delle **peculiarità genetiche** della popolazione sarda .

Al momento il progetto SardiNIA rappresenta uno dei più grandi studi genetici al mondo di popolazione isolata e il CRS4 ha un ruolo di primo piano nella produzione, gestione e archiviazione dei dati analizzati, grazie alla potenza del centro di calcolo di cui il CRS4 è dotato.

Greca Meloni  
Resp. Ufficio Stampa CRS4  
tel. 070/9250450 – cell. 347/2152650  
greca.meloni@crs4.it